

NEXT GENERATION SEQUENCING (GERÄTE)

Firmenname	Advanced Analytical Technologies GmbH	Fluidigm Europe B.V.	Life Technologies	Life Technologies
Firmenadresse/ Ansprechpartner	Advanced Analytical Technologies GmbH Im Neuenheimer Feld 583 D-69120 Heidelberg Tel. 06221-8680-5820 Fax 06221-8680-5899 lbuechner@aati-de.com www.aati-de.com Lutz Büchner	Fluidigm Europe B.V. Parnassustoren Locatellikade 1 NL-1076 AZ Amsterdam Tel. +31-(0)20-578-88-53 Fax +31-(0)20-203-1111 info-europe@fluidigm.com www.fluidigm.com Margit Stadler	Life Technologies 3 Fountain Drive Inchinnan Business Park Paisley PA4 9RF UK Tel. +41-(0)41-544-2240 www.lifetechnologies.com Roland Wicki	
Modellbezeichnung	Fragment Analyzer™	Access Array™ System	5500 W Series Genetic Analyzers	Ion PGM™ Sequencer
Maße (H × B × T)	61 cm × 38 cm × 51 cm	IFC Controller AX: 48,5 cm × 24 cm × 33 cm FC-1 Cycler: 48 cm × 23 cm × 20 cm	75 cm × 80 cm × 12 cm	53 cm × 61 cm × 51 cm
Technologie	Mehrkanal-Kapillarelektrophorese	Das System kombiniert die Kosten- und Durchsatz-Vorteile der Mikrofluidik mit dem Leistungsvermögen und der Flexibilität einer PCR, bei zeit-sparenderer Generierung einer Datenbank mit höchster Uniformität	Ligation-basierte Sequenzierung (Wildfire Technologie)	Halbleiter- Sequenzierung
Leseweite	Auflösung bis 2 bp im Bereich bis 300 bp		1 × 75/2 × 50 PE	200 und 400 Bp
Anzahl Sequenzen pro Lauf	35 bp bis 40.000 bp		5 Milliarden	bis 11 Millionen (Ion 318™ Chip)
Rohdatenmenge pro Lauf	ca. 5 Mb		320 Gb (2 × 50 PE)	Ion 318™ Chip: 1+ Gb Ion 316™ Chip: 100+ Mb Ion 314™ Chip: 10+ Mb
Laufzeit	ca. 30–50 Minuten	4 Stunden	24 Stunden	2 Stunden
Sonstiges/ Besonderheiten	Sowohl als 12 Kanal wie auch als 96 Kanalgerät konfigurierbar Vollautomatisch für bis zu 288 Proben Sensitivität bis 5 pg/µl Geeignet für Qualifizierung und Quantifizierung DNA-, RNA-, gDNA-Analysen	Bis zu 480 Amplikons für 48 Proben können gleichzeitig amplifiziert werden, das ergibt insgesamt 23040 PCR-Produkte Access Array Target spezifische Primer ermöglichen kundenspezifisches Design	36 Exome pro Lauf bei 100x Coverage 24 Transcriptome pro Lauf bei 100M Leseweite 96 Barcodierungen verfügbar Pay-per-lane und Application-per-lane Sequenzierung	Benchtop-Sequenzier-System Drei Chip-Optionen Kundenspezifische, vorkonfigurierte und von Wissenschaftlern generierte Gen-Panels für FFPE-Proben Mehrheit der Basen bei Q30 Benötigt keine optische Einheit wie Kamera Lokale und Cloud-basierte Datenanalyse
Preis	ca. 35.000 bis 40.000 €	Auf Anfrage	Auf Anfrage	72.500 € inkl. Server

Firmenname	Life Technologies	Roche Diagnostics GmbH	Roche Diagnostics GmbH
Firmenadresse/ Ansprechpartner	Life Technologies 3 Fountain Drive Inchinnan Business Park Paisley PA4 9RF UK www.lifetechnologies.com Roland Wicki	Roche Diagnostics Deutschland GmbH Sandhofer Straße 116 D-68305 Mannheim Tel.: 0621-759-8568 mannheim.biocheminfo@ roche.com www.roche-applied- science.com Markus Scheuermann	
Modellbezeichnung	Ion Proton™ Sequencer	GS Junior Benchtop System	GS FLX+ System
Maße (H x B x T)	47,4 cm x 54,2 cm x 77,5 cm	40 cm x 60 cm x 40 cm	75 cm x 90 cm x 130 cm
Technologie	Halbleiter- Sequenzierung	Hochparallele Pyrosequenzierung mehr unter www.gsjunior.com	Hochparallele Pyrosequenzierung mehr unter www.454.com
Leseweite	200 Bp	Lange Leseweiten 500 Basen Modal Read Length	Lange Leseweiten 700 Basen Modal Read Length
Anzahl Sequenzen pro Lauf	60 – 80 Millionen (PI Chip)	100.000 Reads pro Lauf mit 40 Mb Durchsatz	1 Millionen Reads pro Lauf mit bis zu 700 Mb Durchsatz
Rohdatenmenge pro Lauf	bis zu 10 Gb (PI Chip) in 2–3 Stunden bis zu 60 Gb (PII Chip) bis zu 120 Gb (PIII Chip)	Raw images plus full processing: 11–12 Gb	Raw images plus full processing: 27–60 Gb
Laufzeit	2 – 4 Stunden	10 Stunden	10 – 23 Stunden
Sonstiges/ Besonderheiten	Transkriptom-, Exom- und Genom-Sequenzierung in 2 bis 4 Stunden Einfache Sequenzierungs-Chemie Kamerarloses Design des Geräts Schnelle Benchtop-Sequenzierung von Genomen	Benchtop-Sequenziersystem, Einfache Bioinformatik, integrierte Software für Assembly, Mapping und Amplicon-Variantenanalysen Lange Reads ideal für De Novo Sequenzierung, Resequenzierung von Mikroorganismen, Transkriptom-Sequenzierung, Metagenom-Analysen, Amplicon-Sequenzierung	Lange Reads ideal für De Novo Assembly von langen, komplexen Genomen, Transkriptom-Sequenzierung, Metagenom-Analysen und Amplicon-Sequenzierung
Preis	209.800 € inkl. Server	Auf Anfrage	Auf Anfrage